

# INTERPRETATION TABLE

## DRB3 SSP subtyping

Amplification patterns of the DRB3\*0101 to \*0303 alleles

	Well <sup>5</sup>											
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
Length of spec.	100	125	95	85	95	190	90	120	165	185	270	90
PCR product												145
Length of int.	515	430	515	430	430	430	515	430	430	430	515	515
pos. control <sup>1</sup>												
5'-primer(s) <sup>2</sup>	10	30	11	11	11	8	11	11	10	30	10	51
	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-gA T <sup>3'</sup>	5'-g Cg <sup>3'</sup>	5'-Tg T <sup>3'</sup>	5'-g Cg <sup>3'</sup>	5'-C TC <sup>3'</sup>	5'-g Cg <sup>3'</sup>	5'-g Cg <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-gA C <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-g Ag <sup>3'</sup>
			11									
			5'-g Tg <sup>3'</sup>									
3'-primer(s) <sup>3</sup>	30	57	28	26	28	57	28	38	51	77	86	67
	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-C gA <sup>3'</sup>	5'-CT g <sup>3'</sup>	5'-g gT <sup>3'</sup>	5'-CT C <sup>3'</sup>	5'-C gA <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-C CC <sup>3'</sup>	5'-TA A <sup>3'</sup>	5'-C CA <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>
		57								77		86
		5'-C AA <sup>3'</sup>								5'-A gT <sup>3'</sup>		5'-C CA <sup>3'</sup>
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
DRB3 allele <sup>4</sup>												
*01010201-010104	1	2	3									
*0102	1	2	3	4								
*0103	1	2			5							
*0104	1	2	3			6						
*0105	1	2	3				7					
*0106	1	2	3					8				
*0107	1		3						9			
*0108	1	2	3					8				
*0109										10		
*0110	1	2	3									
*0111	1	2	3									
*0201									9	10	11	12
*020201-020205									9	10		
*0203									9	10		
*0204									9	10	11	12
*0205	1								9			
*0206									9	10		
*0207									9	10		
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12

Length of spec.	100	125	95	85	95	190	90	120	165	185	270	90
PCR product												145
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
*0208									9	10		
*0209										10		
*0210										10		
*0211									9	10		
*0212									9	10		
*0213									9	10		
*0214									9	10		
*0215									9			
*0216									9	10		
*0217									9	10		12
*0218									9	10		
*0219									9	10		
*0220									9	10		
*0221									9	10		
*0222									9	10		
*0223									9	10		
*030101-030102	1	2									11	
*0302										10	11	
*0303	1	2										
DRB3 allele <sup>4</sup>												
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
DRB1*0337, 1143, 1459												12
DRB1*0338, 0807, 0819, 0825, 0834, 1331, 1346, 1354, 1377, 1448		w										
DRB1*100101-100102, 1003												
DRB1*1130	w											
DRB1*1144												
DRB1*1149												
DRB1*1150												12
DRB1*1367	1											
DRB1*1446	1				5			8				
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12

# INTERPRETATION TABLE

## DRB3 SSP subtyping

Amplification patterns of the DRB3\*0101 to \*0303 alleles

Well <sup>5</sup>												
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	
270	185	120	155	120	100	180	165	125	185	195	185	Length of spec.
		180		180		270	180	210	245			PCR product
		210										
<b>515</b>	<b>515</b>	430	<b>515</b>	430	430	<b>515</b>	430	430	430	<b>515</b>	430	Length of int.
												pos. control <sup>1</sup>
10	38	11	38	10	38	10	10	10	9	26	11	5'-primer(s) <sup>2</sup>
5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-C gC <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-C gC <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-C gC <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-Tg C <sup>3'</sup>	5'-gg C <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	
10	38								29			
5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-C gC <sup>3'</sup>								5'-C AT <sup>3'</sup>			
86	86	37	74	37	57	55	51	39	77	77	58	3'-primer(s) <sup>3</sup>
5'-C AC <sup>3'</sup>	5'-C AC <sup>3'</sup>	5'-C gg <sup>3'</sup>	5'-C CC <sup>3'</sup>	5'-g TT <sup>3'</sup>	5'-C gA <sup>3'</sup>	5'-g CA <sup>3'</sup>	5'-CC g <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-TA A <sup>3'</sup>	5'-TA A <sup>3'</sup>	5'-C CT <sup>3'</sup>	
		37	77	37		57	57	67			60	
		5'-C gA <sup>3'</sup>	5'-A gg <sup>3'</sup>	5'-g TT <sup>3'</sup>		5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-C Ag <sup>3'</sup>	5'-gAT <sup>3'</sup>			5'-A gg <sup>3'</sup>	
		57		55		58						
		5'-C Ag <sup>3'</sup>		5'-g CA <sup>3'</sup>		5'-C CT <sup>3'</sup>						
		67		57		86						
		5'-gAA <sup>3'</sup>		5'-C Ag <sup>3'</sup>		5'-C Ag <sup>3'</sup>						
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
												DRB3 allele <sup>4</sup>
13							20					*01010201-010104
13							20					*0102
13							20					*0103
13							20					*0104
13							20					*0105
13							20					*0106
13	14											*0107
13				17			20					*0108
13	14		16		18		20					*0109
13							20	21				*0110
13							20		22			*0111
												*0201
13	14											*020201-020205
13		15										*0203
			16									*0204
13	14											*0205
13	14			17								*0206
13	14				18							*0207
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.

270	185	120	155	120	100	180	165	125	185	195	185	Length of spec. PCR product
		180		180		270	180	210	245			
		210										
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
13	14					19						*0208
13	14				18		20				24	*0209
13	14						20					*0210
13	14							21				*0211
13	14								22			*0212
13	14									23		*0213
						19						*0214
13	14		16									*0215
13	14	15		17			20					*0216
13	14	15										*0217
13	14					19					24	*0218
13	14		16								24	*0219
13				17								*0220
13	14				18						24	*0221
13	14		16									*0222
13	14			17		19						*0223
		15					20				24	*030101-030102
		15					20				24	*0302
13		15					20				24	*0303
												DRB3 allele <sup>4</sup>
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
												DRB1*0337, 1143, 1459
												DRB1*0338, 0807, 0819, 0825, 0834, 1331, 1346, 1354, 1377, 1448
	w											DRB1*100101- 100102, 1003
13						19	20				24	DRB1*1130
			w									DRB1*1144
	w		w									DRB1*1149
			w									DRB1*1150
13				17			20					DRB1*1367
13				17			20					DRB1*1446
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.